

---

# QyScore Documentation

*Release 1.11, rev 12 EUROPE FR*

Qynapse

déc. 02, 2025

---

## Table des matières

---

<b>1</b>	<b>Mentions légales</b>	<b>1</b>
1.1	Copyright et marque déposée . . . . .	2
1.2	Usage revendiqué . . . . .	2
1.3	Contre-indications . . . . .	2
1.4	Population cible de patients . . . . .	2
1.5	Utilisateurs revendiqués . . . . .	2
1.6	Description . . . . .	3
1.7	Bénéfices cliniques . . . . .	3
1.8	Présentation générale . . . . .	4
1.9	Description technique . . . . .	4
1.9.1	Installation . . . . .	4
1.9.2	Compatibilité avec d'autres appareils . . . . .	5
1.9.3	Performances . . . . .	5
1.9.4	Maintenance . . . . .	5
1.9.5	Désactivation, désinstallation et suppression des données . . . . .	5
1.9.6	Sécurité . . . . .	6
1.10	Paramètres requis d'imagerie . . . . .	6
1.11	Données normatives . . . . .	7
1.12	Avertissements . . . . .	7
1.13	Signalement des incidents graves . . . . .	8
1.14	Instructions d'emploi électroniques . . . . .	8
1.14.1	EUDAMED . . . . .	9
<b>2</b>	<b>Conventions</b>	<b>10</b>
2.1	Souris . . . . .	10
2.2	Typographie . . . . .	11
2.3	Symboles . . . . .	11
2.4	Glossaire . . . . .	11
<b>3</b>	<b>Connexion à QyScore</b>	<b>12</b>
3.1	Présentation générale . . . . .	12
3.2	Se connecter . . . . .	12
3.2.1	Dans le cas d'une première connexion . . . . .	12
3.3	Changer de mot de passe . . . . .	13
3.4	Se déconnecter . . . . .	13
3.5	Oubli de mot de passe . . . . .	13
<b>4</b>	<b>Envoi des données</b>	<b>14</b>
4.1	Présentation générale . . . . .	14
4.2	Via le serveur DICOM (PACS) . . . . .	14
4.3	Interface web de gestion des données . . . . .	15

4.3.1	Envoyer des données . . . . .	15
4.3.2	Suivi des analyses . . . . .	16
<b>5</b>	<b>Rapport récapitulatif des résultats</b>	<b>19</b>
5.1	Présentation générale . . . . .	19
5.2	Afficher le rapport . . . . .	21
<b>6</b>	<b>Interface web de visualisation des résultats</b>	<b>22</b>
6.1	Présentation générale . . . . .	22
6.1.1	Page de connexion . . . . .	22
6.1.2	Page de visualisation . . . . .	22
6.1.3	Page de gestion des comptes utilisateurs . . . . .	24
6.2	Sélectionner des données patient . . . . .	24
6.2.1	Choisir le patient à sélectionner . . . . .	24
6.2.2	Sélectionner une autre acquisition . . . . .	25
6.3	Visualisation générale . . . . .	25
6.3.1	Naviguer dans les volumes . . . . .	25
6.3.2	Modalités d'imagerie . . . . .	26
6.3.3	Visualiser les structures segmentées . . . . .	26
6.4	Changer de modes de visualisation . . . . .	27
6.4.1	Mode <i>Quantification</i> . . . . .	28
6.4.2	Mode Graphiques . . . . .	29
6.4.3	Mode <i>Longitudinal</i> . . . . .	30
6.4.4	Mode <i>de rendu 3D</i> . . . . .	31
6.5	Modifier les options de visualisation . . . . .	32
6.5.1	<i>Window width</i> (Largeur de fenêtre) et <i>Window center</i> (Centre de la fenêtre) . . .	32
6.5.2	<i>ROI opacity</i> (Opacité des régions d'intérêt) . . . . .	32
6.5.3	<i>Orientation labels</i> (Libellés d'orientation) . . . . .	33
6.5.4	<i>3D Localizer</i> (Curseur 3D) . . . . .	33
6.5.5	Restaurer les options d'origine . . . . .	33
6.6	Afficher le rapport récapitulatif . . . . .	33
6.6.1	Naviguer dans le rapport . . . . .	34
6.6.2	Télécharger le rapport . . . . .	34
<b>7</b>	<b>Résolution de problèmes</b>	<b>35</b>
7.1	Je n'arrive pas à accéder à l'interface de visualisation . . . . .	35
7.2	Je n'arrive pas à envoyer des données depuis mon serveur DICOM . . . . .	35
7.3	Je ne peux pas envoyer de données à partir de l'interface de visualisation . . . . .	35
7.4	Je ne reçois pas les résultats des analyses après le temps indiqué . . . . .	36
7.5	Je ne retrouve pas l'examen que je souhaite visualiser . . . . .	36
7.6	Je n'arrive pas à accéder à la page de gestion de comptes utilisateurs . . . . .	36
	<b>Index</b>	<b>37</b>

# CHAPITRE 1

## Mentions légales

QYNAPSE	QyScore
	<div data-bbox="544 1066 935 1223"><p>2-10 rue d'Oradour-sur-Glane 75015 PARIS FRANCE Courriel : <a href="mailto:support@qynapse.com">support@qynapse.com</a> Web : <a href="https://www.qynapse.com">https://www.qynapse.com</a></p></div> <div data-bbox="999 965 1382 1503"><p>Fabriqué à : 2-10 rue d'Oradour-sur-Glane 75015 PARIS FRANCE Courriel : <a href="mailto:support@qynapse.com">support@qynapse.com</a></p></div>

## 1.1 Copyright et marque déposée

Copyright © 2025 par QYNAPSE SAS, tous droits réservés.

Toute copie, reproduction, modification, publication ou distribution de ce manuel quel qu'en soit la forme, le moyen et le but, sont interdites sans autorisation préalable écrite de QYNAPSE SAS.

QyScore © est une marque déposée de QYNAPSE.

DICOM est la marque déposée de la National Electrical Manufacturers Association pour ses publications de normes relatives aux communications numériques d'informations médicales. Tous les autres noms de marques, de produits et de sociétés mentionnés dans ce document sont des marques commerciales ou des marques déposées de leurs propriétaires respectifs.

## 1.2 Usage revendiqué

QyScore est un logiciel d'analyse et de visualisation pour la labellisation et la quantification volumétrique automatique de segmentations de structures du système nerveux central, chez des patients âgés de plus de 18 ans. Le logiciel est destiné à être utilisé par le personnel médical ou le personnel formé en neuroimagerie pour aider au diagnostic des maladies du système nerveux central.

## 1.3 Contre-indications

- Les données présentant des artefacts d'imagerie bruts et/ou des mouvements de patient ne doivent pas être envoyées pour analyse car elles pourraient entraîner une défaillance ou une segmentation incorrecte des tissus cérébraux.
- QyScore ne doit pas être utilisé en cas d'anomalies anatomiques macroscopiques, de résections ou de tumeurs, car ces conditions pourraient entraîner une défaillance ou une segmentation incorrecte des tissus cérébraux.

## 1.4 Population cible de patients

QyScore fournit des segmentations et des mesures fiables et reproductibles des structures cérébrales pour les patients de plus de 18 ans. Il n'y a pas de maladies spécifiques. QyScore peut analyser toute IRM structurale du cerveau compatible avec le protocole recommandé.

## 1.5 Utilisateurs revendiqués

Le logiciel est destiné à être utilisé par le personnel médical ou le personnel formé en neuroimagerie pour aider au diagnostic des maladies du système nerveux central.

Ces utilisateurs sont des radiologues, des neuroradiologues, des neurologues, des gériatres, des psychiatres.

Ces utilisateurs doivent pouvoir visualiser les informations affichées avec les codes de couleur dans une pièce sombre ou claire avec un environnement à plusieurs écrans. Avant d'utiliser le logiciel, l'utilisateur doit avoir suivi un programme de formation initiale. Ce programme assure la formation des autres utilisateurs.

## 1.6 Description

QyScore est un logiciel d'analyse et de visualisation pour la labellisation et la quantification volumétrique automatique de segmentations de structures du système nerveux central, chez des patients âgés de plus de 18 ans. Le logiciel est destiné à être utilisé par le personnel médical ou le personnel formé en neuroimagerie pour aider au diagnostic des maladies du système nerveux central.

Le logiciel :

- récupère les données d'imagerie d'un serveur ou d'un dossier DICOM,
- envoie ces données au serveur d'analyse de Qynapse,
- permet à l'utilisateur de visualiser les résultats (segmentations et résultats numériques) dans une interface dédiée,
- permet à l'utilisateur de télécharger un rapport de synthèse des résultats (segmentations et résultats chiffrés),
- permet à l'utilisateur d'obtenir les résultats de manière structurée dans un DICOM SR qui peut être utilisé dans d'autres systèmes d'information.

L'interface graphique de visualisation permet à l'utilisateur de :

- Envoyer les données d'imagerie au serveur d'analyse QYNAPSE,
- Parcourir les segmentations et les mesures,
- Comparer les résultats de structures cérébrales segmentées à une population saine de référence,
- Consulter et télécharger le rapport de synthèse.

Cette interface est une application Web qui doit être utilisée avec un navigateur Web.

Le logiciel est conçu pour être convivial et intuitif. Il est destiné à être utilisé par le personnel médical ou le personnel formé en neuroimagerie pour aider au diagnostic des maladies du système nerveux central.

## 1.7 Bénéfices cliniques

Lorsqu'il est utilisé conformément à sa destination et au présent mode d'emploi, aucun bénéfice clinique direct ou immédiat n'est revendiqué pour QyScore. Le logiciel ne fournit aucune recommandation diagnostique ou thérapeutique. Le bénéfice clinique est indirect : QyScore fournit des informations IRM précises, standardisées et quantitatives qui aident les professionnels de santé qualifiés à prendre des décisions cliniques. Le résultat final pour le patient dépend d'autres étapes diagnostiques et/ou thérapeutiques.

Les avantages opérationnels pour les utilisateurs comprennent :

- Précision des mesures quantitatives comparable à celle des méthodes manuelles utilisées par les experts
- Reproductibilité équivalente ou supérieure à celle des outils automatisés de pointe
- Quantification longitudinale objective et fiable pour les évaluations de suivi
- Gains d'efficacité et de normalisation dans les processus de reporting

Les décisions cliniques finales restent sous la seule responsabilité du clinicien.

## 1.8 Présentation générale

Pour commencer à utiliser QyScore, deux modes de fonctionnement sont disponibles :

- Envoi des données directement depuis votre serveur DICOM (PACS) (connexion directe - voir au chapitre 4.2),
- Utiliser l'interface utilisateur web depuis votre ordinateur (voir aux chapitres 4.3 et 6).

## 1.9 Description technique

### 1.9.1 Installation

#### QyScore

QyScore est installé par l'équipe QYNAPSE, sur un ordinateur avec les caractéristiques minimales suivantes :

**Pour moins de 100 analyses/mois :**

Supérieur ou égal à :

- RAM : 12 Go
- CPU : architecture x86\_64, 6 vCPU minimum
- Capacité disque de 500 Go

**Pour plus de 100 analyses/mois :**

Supérieur ou égal à :

- RAM : 24 Go
- CPU : architecture x86\_64, 12 vCPU minimum
- Capacité disque de 3 TB

Pour s'assurer que le logiciel fonctionne correctement, il ne doit pas être modifié.

Dans le mode de connexion directe, l'ordinateur devra être connecté à un serveur DICOM pour permettre l'envoi des données au serveur d'analyse.

Plusieurs configurations pour l'installation de QyScore sont possibles :

- Serveur distant : QyScore est installé sur le cloud, les données étant stockées en dehors de l'organisation cliente, sur un système d'hébergement de données de santé
- Serveur local : le serveur est installé dans un ordinateur de l'organisation cliente

#### Interface web

Les caractéristiques minimales de l'ordinateur utilisant l'interface web sont :

- RAM : 4Go
- CPU : 4
- Écran de taille 1024x768 et de résolution 132 PPI
- Souris
- Clavier

Plusieurs navigateurs peuvent être utilisés :

- Mozilla Firefox version 68.0.2 (64-bit) ou supérieure
- Google Chrome, version 76.0.3809.100 (64-bit) ou supérieure

Pour les configurations en mode serveur distant, l'ordinateur doit disposer d'une connexion Internet pour permettre la communication entre le client et le serveur.

Les ordinateurs utilisant l'interface web doivent être équipés d'un pare-feu et d'un système antivirus appropriés. Si le matériel n'est pas fourni par QYNAPSE, il incombe au client de s'assurer que ces éléments sont installés.

### 1.9.2 Compatibilité avec d'autres appareils

QyScore récupère les données DICOM IRM d'un serveur DICOM ou de l'ordinateur et délivre des données DICOM (images et statistiques).

### 1.9.3 Performances

QyScore analyse automatiquement les IRM et fournit des résultats sur les structures cérébrales suivantes :

- Matière grise
- Matière blanche
- Lobes
- Hippocampe
- Amygdale
- Hyper-intensités de la matière blanche

Dans les conditions décrites au chapitre 1.10, les performances des méthodes de quantification volumétrique peuvent être obtenues sur simple demande à l'adresse suivante : [support@qynapse.com](mailto:support@qynapse.com).

Les volumes indiqués par le logiciel sont présentés en valeurs absolues (mL) et relatives (% de volume intracrânien).

### 1.9.4 Maintenance

L'ordinateur contenant le serveur d'analyse doit être en marche pour que le logiciel fonctionne correctement. En cas de coupure planifiée, il convient donc de le remettre en marche. D'autre part, la base de données contenant les résultats d'analyse est purgée automatiquement lorsque la capacité maximale de stockage est atteinte.

Cet logiciel est conçu pour une durée de vie opérationnelle pouvant aller jusqu'à 3 ans, pendant laquelle Qynapse fournit la maintenance et l'assistance nécessaires pour garantir des performances et une conformité optimales. La durée exacte est définie comme la période la plus courte entre la date d'installation + 3 ans et la période spécifiée dans le contrat commercial signé, selon le cas.

### 1.9.5 Désactivation, désinstallation et suppression des données

La désactivation/désinstallation de QyScore est effectuée par QYNAPSE sur demande adressée à [support@qynapse.com](mailto:support@qynapse.com).

Pour la désactivation, QYNAPSE désactive l'accès à la visionneuse et le mécanisme qui renvoie les résultats au PACS est désactivé.

Pour la désinstallation, QyScore est désinstallé et les données utilisateur sont supprimées.

Le client reste responsable de toutes les données stockées en dehors de l'appareil, telles que les archives PACS ou institutionnelles/les sauvegardes. Une fois l'opération terminée, le client reçoit une confirmation indiquant que le logiciel a été désactivé ou désinstallé et que la suppression des données utilisateur a été effectuée.



## 1.9.6 Sécurité

Si une faille de sécurité est détectée, le serveur d'analyse sera éteint par Qynapse pour éviter une possible utilisation frauduleuse. Dans ce cas, de nouvelles analyses de données ne seront plus disponibles, mais les analyses précédemment effectuées resteront disponibles car copiées sur le serveur DICOM.

## 1.10 Paramètres requis d'imagerie

QyScore est optimisé pour analyser des IRM de type 3DT1 non-injectées (1.5T ou 3T), ainsi que de type T2FLAIR (1.5T ou 3T), acquises selon les paramètres ci-dessous :

	T1	
	Requis	Toléré
Taille de voxel dans le plan (mm)	[1, 1]	Min : [0.43, 0.43] Max : [1.5, 1.5]
Champ de vision (mm)	x : [152, 340] y : [220, 340] z : [152, 340]	x : [144, 340] y : [170, 340] z : [132, 340]
Épaisseur de tranche (mm)	1	Min : 0.68 Max : 2
Espace entre les tranches (mm)	0	Min : -1 Max : 0
Interpolation	Non	Oui
Direction d'acquisition	Sagittal	Axial, Coronal
Type d'acquisition	3D	2D avec voxel isotrope
Intensité du champ	1.5T, 3T	1.5T, 3T

	T2FLAIR2D		T2FLAIR3D	
	Requis	Toléré	Requis	Toléré
Taille de voxel dans le plan (mm)	[1, 1]	Min : [0.43, 0.43] Max : [1.1, 1.1]	[1, 1]	Min : [0.43, 0.43] Max : [1.1, 1.1]
Champ de vision (mm)	x : [152, 340] y : [220, 340] z : [152, 340]	x : [144, 500] y : [170, 340] z : [132, 340]	x : [152, 340] y : [220, 340] z : [152, 340]	x : [144, 340] y : [170, 340] z : [132, 340]
Épaisseur de tranche (mm)	3.3	Min : 2 Max : 5	1	Min : 0.8 Max : 2.0
Espace entre les tranches (mm)	0	Min : 0 Max : 1	0	Min : -1 Max : 0
Interpolation	Non	Oui	Non	Oui
Direction d'acquisition	Axial	Coronal, Sagittal	Sagittal	Axial, Coronal
Type d'acquisition	2D	2D	3D	3D
Intensité du champ	1.5T, 3T	1.5T, 3T	1.5T, 3T	1.5T, 3T

En cas de non-respect des paramètres, les résultats ne seront pas optimaux, ni en termes de temps ni en termes de fiabilité. Si les paramètres d'acquisition sont en dehors des plages tolérées, les analyses ne seront pas lancées.

## 1.11 Données normatives

Les résultats statistiques de QyScore (Z-scores et percentiles) sont générés par comparaison à des résultats obtenus sur plusieurs bases de données dites normatives.

La base de données est une concaténation des bases suivantes :

Base de données	Âge moyen	Écart type	Âge minimum	Âge maximum	Sujets sains	Femmes	Hommes	% d'hommes
1	59.5	14.7	20	89	805	436	369	46
2	67.1	9.5	43	97	720	397	323	45
3	48.7	16.5	20	86	563	313	250	44
4	38.5	18.3	18	84	468	238	230	49
5	52.2	23.5	20	94	306	191	115	38
6	27.5	4.8	23	38	172	87	85	49
7	34	12.8	18	72	155	102	53	34
8	31.3	8.7	21	50	122	57	65	53
9	78.2	6.8	60	93	57	35	22	39
10	67.1	8.5	46	85	47	26	21	45

## 1.12 Avertissements

Les utilisateurs doivent s'assurer de lire ce manuel d'utilisation pour se familiariser avec le logiciel, afin de pouvoir obtenir des résultats fiables.



QyScore est destiné à être utilisé par du personnel médical qualifié et/ou spécialisé en neuro-imagerie. Le logiciel ne doit pas être utilisé pour des usages différents de ceux indiqués au 1.2.



Une position assise prolongée devant un ordinateur peut irriter les yeux et provoquer des maux de dos. Si vous éprouvez de la fatigue, faites une pause dans l'utilisation du logiciel.



QyScore ne dispose pas de mode d'accessibilité pour les utilisateurs avec des besoins particuliers.



Les segmentations entièrement automatisées calculées par QyScore peuvent être affectées négativement par la qualité de l'image (telles que les artefacts de mouvement) et les anomalies neuromorphologiques importantes (telles que les tumeurs émergentes) comme souligné dans la section **contre-indications** ci-dessus. Par conséquent, en présence de tels problèmes, il peut y avoir une certaine erreur de segmentation et il est recommandé au clinicien expert d'évaluer visuellement l'exactitude de ces superpositions de segmentation pour confirmer l'exactitude des sorties de volume rapportées.



Compte tenu de l'absence de précision de mesure pour le format DICOM des données d'entrée, QYNAPSE ne peut garantir la précision des volumes exprimés en mL. Ces volumes absolus sont indiqués à titre informatif. Référez-vous aux volumes relatifs (en % de volume intracrânien) pour un résultat fiable.



Les patients dont les données sont analysées par QyScore doivent être âgés de plus de 18 ans.



Si des données corrompues sont envoyées depuis le serveur DICOM, ces dernières ne peuvent pas être traitées. Vous en serez informé.



QYNAPSE n'est pas responsable de la gestion des données par des outils tiers tel que le serveur DICOM, ni de la qualité de l'infrastructure en dehors du matériel fourni. Si QyScore est installé localement, vous êtes responsable du contrôle de l'accès physique au serveur d'analyse.



L'installation doit être supervisée par le personnel de QYNAPSE.


## 1.13 Signalement des incidents graves

En cas d'incident grave lié à l'utilisation de QyScore, les utilisateurs doivent immédiatement signaler :



- le fabricant (Qynapse, via [support@qynapse.com](mailto:support@qynapse.com)), et
- l'autorité compétente de l'État membre de l'UE où l'utilisateur ou le patient se trouve.

Un incident grave désigne tout événement qui a entraîné ou pourrait entraîner une menace grave pour la santé publique, le décès ou une détérioration grave et imprévue de l'état de santé du patient ou de l'utilisateur.

## 1.14 Instructions d'emploi électroniques

Veuillez noter que le logiciel QyScore est fourni avec un mode d'emploi électronique. L'icône  indique que des informations supplémentaires ou des instructions essentielles sont disponibles dans le manuel utilisateur.

Ce manuel est disponible de la manière suivante :

- **Via l'interface utilisateur Web, en cliquant sur l'icône** 
  - en cliquant sur **About** (À propos) puis sur l'icône .
  - en cliquant sur **User Manuals** (Manuel utilisateur).
- Depuis la bibliothèque en ligne, sur <https://manuals.qynapse.com>.

Merci de noter que le manuel utilisateur est fourni au format **PDF**. Un logiciel approprié, tel que Adobe Acrobat Reader, est requis pour le visualiser. Adobe Reader peut être téléchargé à l'adresse suivante : <https://get.adobe.com/reader>.

Une version papier de ce manuel peut être obtenue sans frais supplémentaire et sous sept jours calendaires. Pour cela, contactez QYNAPSE à l'adresse suivante : 2-10 rue d'Oradour-sur-Glane, 75015 PARIS, FRANCE

### **1.14.1 EUDAMED**

Le site public de la base de données européenne sur les dispositifs médicaux (EUDAMED) est accessible sur le lien suivant : <https://ec.europa.eu/tools/eudamed>.

Les conventions suivantes sont utilisées dans ce manuel d'utilisation.

## 2.1 Souris

### **Clic**

Presser et relâcher le bouton principal de la souris. Si vous êtes gaucher, il peut s'agir du bouton droit de la souris, que vous aurez configuré comme bouton principal.

### **Double-clic**

Presser et relâcher deux fois le bouton principal de la souris. Si vous êtes gaucher, il peut s'agir du bouton droit de la souris, que vous aurez configuré comme bouton principal.

### **Clic enfoncé**

Presser le bouton principal de la souris, puis déplacer la souris. Si vous êtes gaucher, il peut s'agir du bouton droit de la souris, que vous aurez configuré comme bouton principal.

### **Défilement molette**

Faire défiler la molette.

### **Clic droit**

Presser et relâcher le bouton secondaire de la souris. Si vous êtes gaucher, il peut s'agir du bouton gauche de la souris, que vous aurez configuré comme bouton principal.

### **Clic molette**

Presser et relâcher la molette ou le bouton du milieu de la souris.

### **Clic enfoncé molette**

Presser la molette ou le bouton du milieu de la souris, puis déplacez la souris.

## 2.2 Typographie

### OK

Les noms des boutons, champs et menus cliquables de l'interface graphique sont capitalisés et en gras.

### *Se connecter*

Les intitulés non cliquables des sections de l'interface sont indiqués en italique.

### Paramètres > Configuration

Une séquence d'options du menu à sélectionner pour faire une tâche spécifique est indiquée en gras et par des signes >

## 2.3 Symboles



Indique un avertissement à prendre en compte lors de l'utilisation de QyScore.

## 2.4 Glossaire

### Fenêtre de visualisation standard

Dans l'interface de visualisation, fenêtre simple de visualisation de volume.

### Fausse couleur

Couleur appliquée à une zone ou un objet dans une image en tons de gris, dans le seul but de rendre cette zone ou cet objet plus visible dans l'image. Cette couleur est choisie arbitrairement et toute ressemblance avec la couleur réelle de la zone ou de l'objet est purement fortuite.

### Fenêtre spéciale

Dans l'interface de visualisation, fenêtre de visualisation dont le contenu dépend du mode de visualisation choisi.

### Z-score

Valeur exprimant l'écart par rapport à la valeur moyenne, en déviation standard.

### Percentile

Valeurs de la variable qui divisent la population en 100 groupes égaux en nombre (chaque percentile correspond à 1 % de la population).

### 3.1 Présentation générale

Pour vous connecter à l'interface de visualisation depuis votre ordinateur, vous devez ouvrir un navigateur Internet et entrer l'URL fournie par QYNAPSE.

### 3.2 Se connecter

Entrez vos identifiants et mot de passe dans les champs correspondants. Le mot de passe vous est initialement fourni par votre administrateur ou par QYNAPSE à l'installation.

Cliquez ensuite sur **Sign in** (Se connecter).

Si les identifiants sont corrects, l'interface se lance.

#### 3.2.1 Dans le cas d'une première connexion

Si vous vous connectez pour la première fois, vous devrez utiliser la procédure d'oubli du mot de passe.

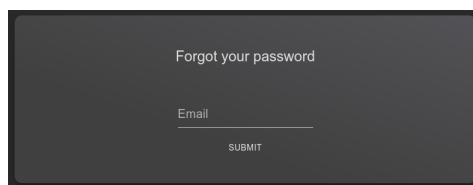


FIG. 3.1 – Oubli de mot de passe

Pour ce faire :

- *Email* (Courriel) : entrez votre courriel
- Clic sur **Submit** (Envoyer)

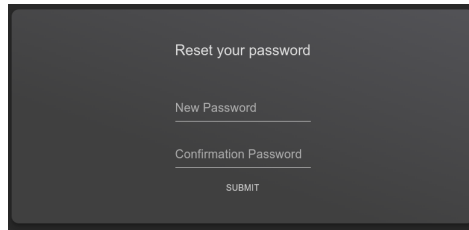


FIG. 3.2 – Réinitialisez votre mot de passe

Pour ce faire :

- *New password* (Nouveau mot de passe) : entrez votre nouveau mot de passe
- *Confirm new password* (Confirmer nouveau mot de passe) : entrez votre nouveau mot de passe
- Clic sur **Submit** (Envoyer)


---

**Note :** Ce nouveau mot de passe vous sera demandé lors de vos prochaines connexions.

---


### 3.3 Changer de mot de passe

Suivre les étapes :

- Clic sur l'icône 
- Clic sur **Change password** (Changer le mot de passe)
- *Current password* (Mot de passe actuel) : entrez votre mot de passe actuel
- *New password* (Nouveau mot de passe) : entrez votre nouveau mot de passe
- *Confirm new password* (Confirmer nouveau mot de passe) : entrez votre nouveau mot de passe
- Clic sur **Change password** (Changer le mot de passe) pour sauver le nouveau mot de passe
- Clic sur **Cancel** (Annuler) pour annuler et fermer la fenêtre

### 3.4 Se déconnecter

Pour se déconnecter :

- Clic sur l'icône 
- Clic sur **Sign out** (Se déconnecter)

### 3.5 Oubli de mot de passe

Si vous avez oublié votre mot de passe, veuillez contacter QYNAPSE à l'adresse [support@qynapse.com](mailto:support@qynapse.com).



#### 4.1 Présentation générale

Vous pouvez envoyer des données au serveur d'analyse QYNAPSE :

- directement via votre serveur DICOM (PACS)
- via l'interface web de gestion des données

Dans tous les cas, les données réceptionnées sont traitées automatiquement.

Les analyses effectuées dépendent du type de données envoyées et de la licence souscrite auprès de QYNAPSE.

En fonction des modalités envoyées et de la résolution des images, le temps de traitement varie. À titre indicatif, le traitement d'une 3DT1 seule dure 10min, et celui d'un couple (3DT1, T2FLAIR) dure 20min.

#### 4.2 Via le serveur DICOM (PACS)

Il vous est possible d'envoyer des données directement depuis votre serveur DICOM (PACS). Pour cela, sélectionnez les séquences à analyser, puis exportez-les vers QyScore (se référer au manuel utilisateur de votre serveur DICOM pour plus d'informations).

Vous pouvez également exporter un examen complet mais le temps de calcul sera rallongé.

L'export de tous les examens d'un même patient n'est actuellement pas géré.

Une fois les analyses terminées, les résultats sont renvoyés directement sous format DICOM sur votre serveur.



Vous pouvez également les visualiser via l'interface de visualisation. Pour plus d'information, voir au chapitre 6.

La base de données est régulièrement nettoyée pour économiser de la place. Si l'examen que vous souhaitez visualiser n'est plus disponible, veuillez relancer l'analyse.

## 4.3 Interface web de gestion des données

### 4.3.1 Envoyer des données

Des données peuvent être envoyées au serveur d'analyses de QYNAPSE via l'interface *Launch new analyses*. Pour ouvrir cette interface :

- Clic sur l'icône 
- Ou :
- Clic sur l'icône 
- Clic sur **Launch new analyses** (Lancer de nouvelles analyses)

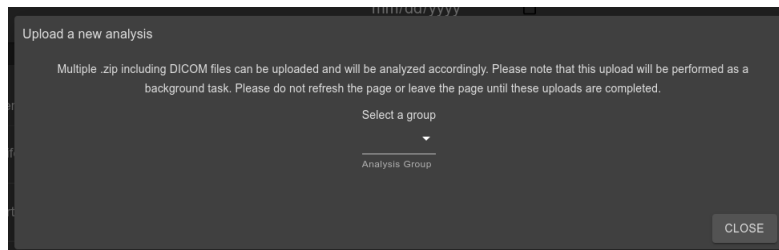


FIG. 4.1 – Lancement de nouvelles analyses

Dans l'interface *Launch new analyses* (Lancer de nouvelles analyses) :

- Faites glisser les fichiers dans la zone de chargement des données
- Attendez la fin du chargement. Le message *Ready* (Prêt) s'affiche.

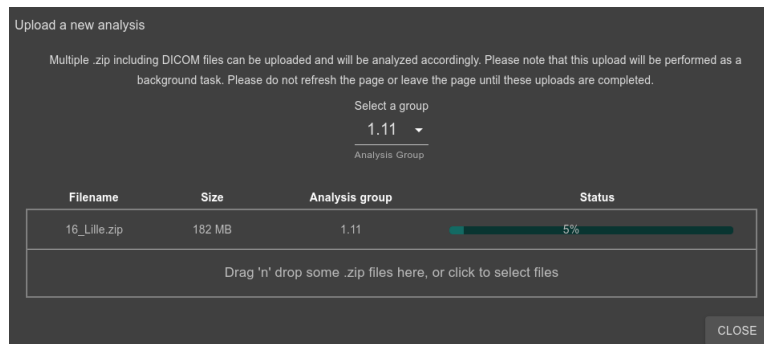


FIG. 4.2 – Lancement de nouvelles analyses - Fichier chargé

---

**Note :** Vous devez compresser vos dossiers DICOM (format .zip) pour les charger dans l'interface.

---




---

**Note :** Le fichier .zip peut contenir des données DICOM pour plusieurs patients/acquisitions. Elles seront automatiquement triées et une analyse sera lancée pour chaque patient/acquisition.

---

## Supprimer un fichier chargé

Pour supprimer un fichier de la zone de chargement, cliquez sur l'icône .

## Envoi des données

Une fois les fichiers chargés dans l'interface, cliquez sur **Send** (Envoyer).

Une fenêtre de confirmation s'affiche.

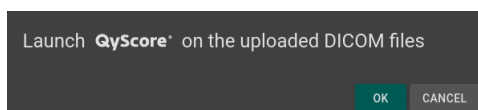


FIG. 4.3 – Confirmation de l'envoi des données pour analyses

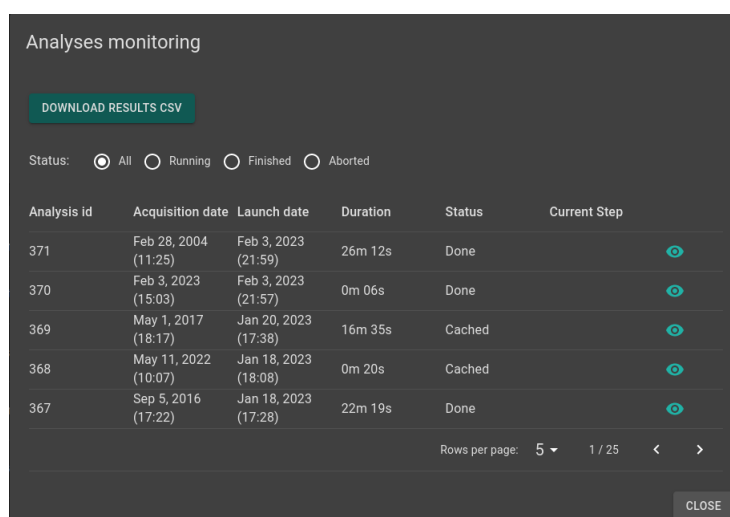
- Clic sur **Ok** pour envoyer les données téléchargées pour analyses
- Clic sur **Cancel** (Annuler) pour annuler la procédure et fermer la fenêtre.

Les données sélectionnées sont copiées et envoyées au serveur d'analyse de QYNAPSE. Vous pouvez suivre l'avancement et contrôler les analyses lancées dans l'interface *Analyses monitoring* (Suivi des analyses).

### 4.3.2 Suivi des analyses

Les analyses lancées peuvent être suivies dans l'interface *Analyses monitoring* (Suivi des analyses). Pour ouvrir l'outil de suivi des analyses :






- Clic sur l'icône 
- Clic sur **Analyses monitoring** (Suivi des analyses)



Analyses monitoring

DOWNLOAD RESULTS CSV

Status: ☒ All ☐ Running ☐ Finished ☐ Aborted

Analysis id	Acquisition date	Launch date	Duration	Status	Current Step
371	Feb 28, 2004 (11:25)	Feb 3, 2023 (21:59)	26m 12s	Done	
370	Feb 3, 2023 (15:03)	Feb 3, 2023 (21:57)	0m 06s	Done	
369	May 1, 2017 (18:17)	Jan 20, 2023 (17:38)	16m 35s	Cached	
368	May 11, 2022 (10:07)	Jan 18, 2023 (18:08)	0m 20s	Cached	
367	Sep 5, 2016 (17:22)	Jan 18, 2023 (17:28)	22m 19s	Done	

Rows per page: 5 ▾ 1 / 25 < >

CLOSE

FIG. 4.4 – Suivi des analyses

Les informations relatives aux analyses sont affichées sur le tableau :

- *Patient* : le nom ou l'identifiant du patient
- *Acquisition date* (Date d'acquisition) : la date d'acquisition de l'examen du patient
- *Launch date* (Date de lancement) : la date et l'heure de lancement de l'analyse
- *Duration* (Durée) : la durée de l'analyse
- *Status* (Statut) : le statut de l'analyse. Il peut s'agir de :

- *Pending* (En attente) : l'analyse est en attente de traitement (le processus est dans la file d'attente)
- *Scheduled* (Planifié) : l'analyse est planifiée pour exécution (le processus va commencer)
- *Running* (En cours) : l'analyse est en cours (une barre de progression est affichée)
- *Done* (Terminée) : l'analyse est terminée
- *Error* (Annulée) : l'analyse a rencontré une erreur inattendue
- *Aborted* (Annulée) : l'analyse a été annulée par l'utilisateur ou a rencontré une erreur inattendue
- *Cached* (Caché) : l'analyse est Terminée avec succès, mais des étapes ont été passés car déjà calculées par une analyse précédente
- *Current Step* (Étape courante) : l'évolution de l'analyse en temps réel

### Annuler une analyse *Scheduled* (En attente)

Les analyses *Scheduled* (En attente) peuvent être annulées avant qu'elles ne soient lancées.

Pour annuler une analyse *Scheduled* (En attente) :

- Clic sur l'icône  sur la ligne de l'analyse

Une fenêtre de confirmation s'affiche.

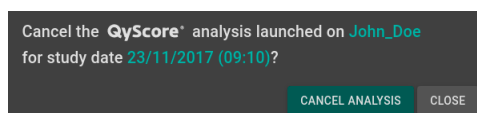


FIG. 4.5 – Confirmation de l'annulation d'une analyse

- Clic sur **Cancel analysis** (Annuler l'analyse) pour annuler l'analyse *Scheduled* (En attente). Elle prend alors le statut *Annulée*.
- Clic sur **Close** (Fermer) pour annuler la procédure et fermer la fenêtre

---

**Note :** Si l'analyse passe de *Scheduled* (En attente) à *Running* (En cours) alors que la fenêtre de confirmation est encore ouverte, l'analyse n'est pas annulée et le message *Your analysis cannot be cancelled, it has already started* (Votre analyse ne peut être annulée, elle est déjà) apparaît.

---

### Filtrer les analyses

Pour filtrer les analyses en fonction de leur statut :

- Clic sur l'option correspondante :
  - *All* (Toutes) : affiche toutes les analyses
  - *Running* (En cours) : affiche les analyses *En cours*
  - *Finished* (Terminées) : affiche les analyses *Finished* (Terminées)
  - *Aborted* (Annulées) : affiche les analyses *Annulées*

## Charger le patient d'une analyse terminée

Les patients dont les analyses sont *Finished* (Terminées) peuvent être chargés à partir du serveur d'analyse de QYNAPSE. Pour ce faire :

- Clic sur l'icône  sur la ligne de l'analyse

Une fenêtre de confirmation s'affiche.

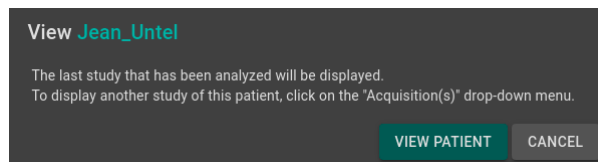



FIG. 4.6 – Confirmation du chargement d'un patient à partir d'une analyse

- Clic sur **View patient** (Voir le patient) pour charger le patient dans l'interface
- Clic sur **Cancel** (Annuler) pour annuler la procédure et fermer la fenêtre.

---

**Note :** La dernière acquisition analysée est affichée lorsqu'un patient est chargé dans QyViewer. Pour afficher une autre acquisition du patient sélectionné, cliquez sur l'icône  du menu déroulant *Acquisition(s)* et sélectionnez la date de l'acquisition souhaitée.

---

## Téléchargement des résultats

Pour obtenir le fichier de résultats des analyses terminées :

- Clic sur **Download CSV results** (Télécharger les résultats CSV)

Les résultats sont présentés dans un fichier CSV, chaque ligne faisant référence à un patient/une acquisition, et chaque colonne faisant référence à un marqueur IRM.

---

## Rapport récapitulatif des résultats

---

### 5.1 Présentation générale

Trois modèles de rapports sont disponibles :

- *Generic* (Générique) : avec toutes les quantifications et graphiques du cerveau QyScore.
- *Dementia* (Démence) : avec des quantifications cérébrales QyScore et des graphiques spécifiques au suivi des patients atteints de démence.
- *Multiple Sclerosis* (Sclérose en plaques) : avec des quantifications cérébrales QyScore et des graphiques spécifiques au suivi des patients atteints de sclérose en plaques.

Chaque rapport contient un résumé des résultats de l'analyse QyScore.

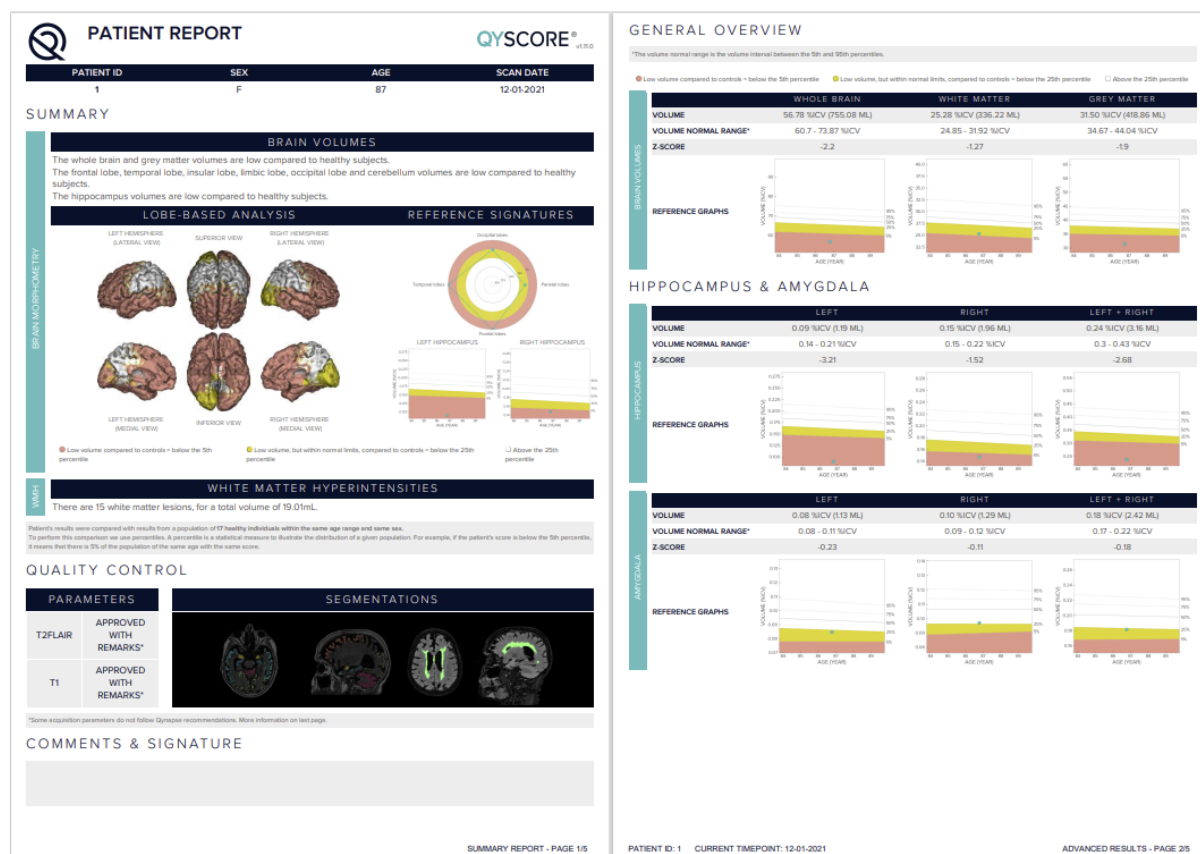


FIG. 5.1 – Rapport

Les sections disponibles pour tous les rapports sont les suivantes :

- *Patient information* (Informations patient) : informations relatives au patient (nom, âge, sexe), date d'acquisition.
- *Summary* (Synthèse) : synthèse des résultats obtenus sur les structures segmentées.
- *Overview* (Vue d'ensemble) : résultats détaillés, quantifications et graphiques de comparaison avec la base de données normative (décrite au chapitre 1.11).
- *Quality control* (Contrôle qualité) : résultats détaillés du contrôle qualité automatisé effectué par QyScore
- *Comments & Signature* (Commentaires & Signature) : espace libre pour éditer des commentaires et signer

La section spécifique à un patient avec 2 points temporels est la suivante :

- *Longitudinal analysis* (Analyse longitudinale) : résultats longitudinaux calculés automatiquement sur les structures anatomiques et les lésions cérébrales.

**Note :** Remarque : le champ *Longitudinal analysis* (Analyse longitudinale) n'est pas visible si un seul point temporel est disponible pour le patient.

La section spécifique au rapport Démence est la suivante :

- *Lobe-based analysis* (Analyse basée sur les lobes) : contient des images résultant de l'analyse des lobes de l'IRM 3DT1, affichées dans différentes vues.

## 5.2 Afficher le rapport

Le rapport peut être affiché et imprimé via l'interface de visualisation web (voir [6.6](#)).



---

### Interface web de visualisation des résultats

---

#### 6.1 Présentation générale

Cette interface web est dédiée à la visualisation des résultats calculés par le serveur d'analyse. Cette interface est constituée de trois pages :

- Une page de connexion
- Une page générale dédiée à :
  - La gestion des analyses :
    - Lancement de nouvelles analyses
    - Suivi des analyses
  - La visualisation des résultats :
    - Outils de visualisation interactive des données d'imagerie, des volumes segmentés et des statistiques correspondantes.
    - Outils de visualisation et de téléchargement du rapport récapitulatif des résultats.
- Une page de gestion des comptes utilisateurs, dédiée aux administrateurs

##### 6.1.1 Page de connexion

Vous pouvez vous connecter à l'interface via la page de connexion. Voir au chapitre 3 pour plus d'informations.

##### 6.1.2 Page de visualisation

Une fois connecté à l'interface, la page de visualisation s'affiche.

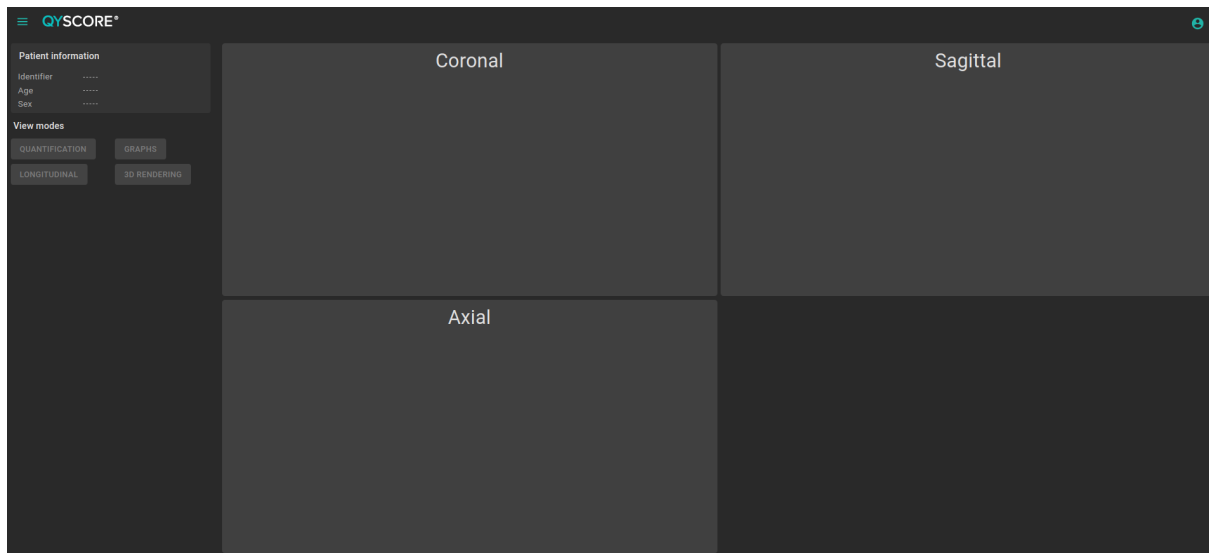


FIG. 6.1 – Page de visualisation de l'interface web

Après le chargement des données d'un sujet (voir chapitre 6.2) :

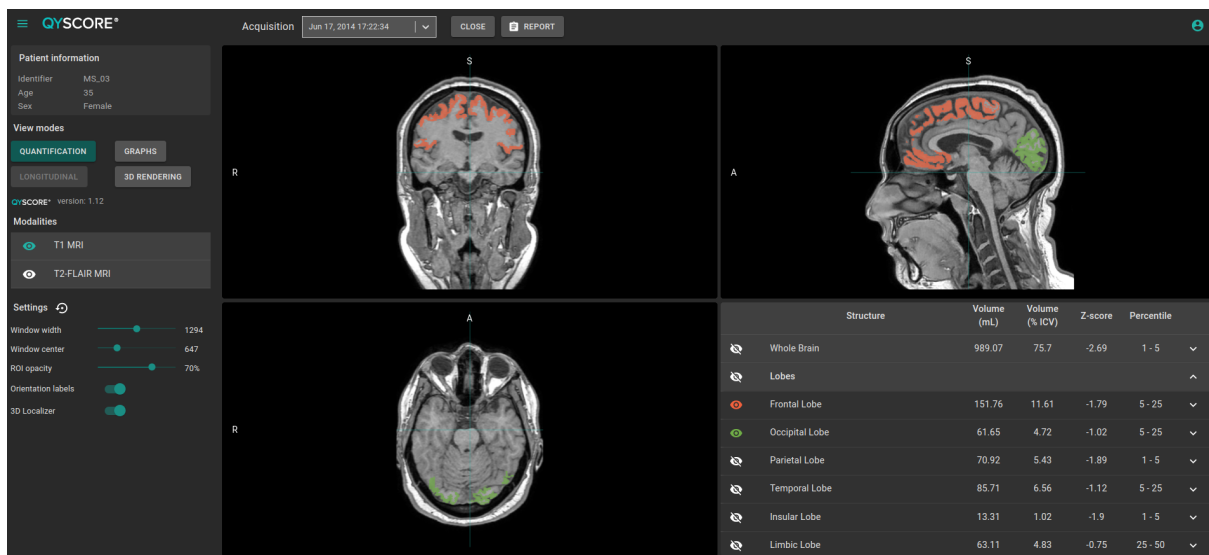







FIG. 6.2 – Page de visualisation de l'interface web - Patient chargé

La barre supérieure est constituée de plusieurs sous-parties :

- Menu latéral : accessible en cliquant sur l'icône , il permet d'accéder à différentes fonctionnalités de l'interface :
  - Dans la rubrique *Analyses* :
    - **Launch new analyses** (Lancer de nouvelles analyses) permet de lancer une nouvelle analyse en chargeant des fichiers DICOM
    - **Analyses monitoring** (Suivi des analyses) permet d'ouvrir l'outil de suivi des analyses
  - Dans la rubrique *MRI visualization* (Visualisation IRM) :
    - **Viewer** (Visualisation) permet de revenir sur la page de visualisation des résultats
    - **Load patient files** (Charger les fichiers patient) permet de charger des données analysées de patients dans l'interface
    - **User manual** (Manuel utilisateur) permet d'afficher le manuel utilisateur
    - **Shortcuts** (Raccourcis) permet d'afficher les raccourcis clavier et souris
    - **About** (À propos) permet d'afficher les informations relatives à QyScore

- Menu *Acquisition(s)* : pour choisir l'acquisition à afficher pour le patient sélectionné
- Menu *Report* (Rapport) : accessible en cliquant sur l'icône **Report** (Rapport), il permet d'afficher ou de télécharger le rapport récapitulatif des résultats d'analyse
- Fenêtre *Launch analysis* (Lancer de nouvelles analyses) : accessible en cliquant sur l'icône , elle permet de lancer une nouvelle analyse en chargeant des fichiers DICOM
- Fenêtre *Load patient files* (Charger les fichiers patient) : accessible en cliquant sur l'icône , elle permet de charger des données analysées de patients dans l'interface
- Menu *Notifications* : accessible en cliquant sur l'icône , elle permet de consulter la liste des analyses dont la revue n'a pas été effectuée
- Menu *My Account* (Mon Compte) : accessible en cliquant sur l'icône , il permet de gérer les comptes utilisateurs


Le panneau de contrôle situé dans la partie gauche de l'interface est constitué de plusieurs sous-parties :

- *Patient information* (Information patient) : affichage d'informations sur le sujet sélectionné
- *View modes* (Modes de visualisation) : pour choisir le mode de visualisation (par défaut, le mode sélectionné est *Quantification*)
- *Modalities* (Modalités) : pour choisir la modalité à afficher
- *Settings* (Paramètres) : pour modifier les différentes options de visualisation, afin d'assurer un meilleur confort visuel

La partie de droite est dédiée à la visualisation à proprement parler. Elle est consituée de trois fenêtres de visualisation de volume dans les orientations orthogonales standard (coronale, sagittale, axiale).

La quatrième fenêtre de visualisation est dite « fenêtre spéciale » : son contenu est relatif au mode de visualisation choisi.

### 6.1.3 Page de gestion des comptes utilisateurs


Les administrateurs peuvent accéder à cette page en cliquant sur l'icône , puis sur **Manage account** (Gestion des comptes).

Ils peuvent créer de nouveaux profils utilisateurs ou supprimer des profils existants qui appartiennent à leur organisation.

## 6.2 Sélectionner des données patient

### 6.2.1 Choisir le patient à sélectionner

Suivez les étapes suivantes :

- Clic sur l'icône 
- Clic sur **Select a database...** (Sélectionner une base de données...) afin de sélectionner la base de données correspondante
- Clic sur **Select a center...** (Sélectionner un centre...) afin de filtrer les patients selon leur centre d'analyse
- Clic sur **Type a patient ID...** (Saisir un identifiant patient...) afin de filtrer les patients selon leur identifiant
- Clic sur le nom d'un patient pour le sélectionner
- Clic sur **Download** (Télécharger) pour charger le patient sélectionné dans l'interface

— Clic sur **Cancel** (Annuler) pour annuler la procédure et fermer la fenêtre

---

**Note :** Il peut être nécessaire de rouvrir la fenêtre si de nouvelles analyses ont été effectuées pendant son ouverture.

---

### 6.2.2 Sélectionner une autre acquisition

Lorsqu'un patient est chargé dans l'interface, sa dernière acquisition analysée est affichée. Pour afficher une autre acquisition du patient sélectionné, cliquez sur l'icône ▼ du menu déroulant *Acquisition(s)* et sélectionnez la date de l'acquisition souhaitée.

## 6.3 Visualisation générale

Ces instructions sont valables quel que soit le mode de visualisation choisi. Le panneau de contrôle fait référence à la partie gauche de la page de visualisation.

### 6.3.1 Naviguer dans les volumes



FIG. 6.3 – Fenêtre de visualisation standard

La fenêtre est constituée de :

- l'espace d'affichage du volume,
- libellés d'orientation : R pour Right (Droite), S pour Superior (Supérieur), A pour Anterior (Antérieur),
- un curseur 3D permettant de naviguer dans le volume en choisissant la coupe à visualiser.

#### Contrôles souris




Sur le volume affiché :

- Clic sur un point du volume affiché : permet d'ajuster les deux autres fenêtres de visualisation standard afin de se positionner au point indiqué. Fonctionne également avec un clic enfoncé.
- Double-clic : permet de mettre la vue en plein écran ou de sortir du plein écran.
- Défilement molette : permet de changer la coupe à visualiser.
- Clic enfoncé molette : permet de déplacer le volume dans la fenêtre.
- Clic droit : permet de zoomer le volume. Fonctionne également avec un clic enfoncé.

### 6.3.2 Modalités d'imagerie

Les modalités d'imagerie visualisables sont affichées dans la partie *Modalities* (Modalités) du panneau de contrôle. Il s'agit des modalités envoyées par l'utilisateur et sélectionnées par QyScore pour analyse.

Pour afficher ou masquer une modalité :

- Clic sur le nom de la modalité ou sur l'icône  /  juxtaposant le nom de la modalité
-  : modalité affichée
-  : modalité masquée

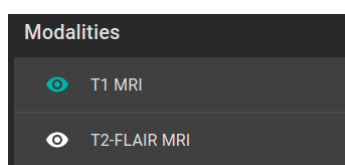


FIG. 6.4 – Choix de modalité

### 6.3.3 Visualiser les structures segmentées







	Structure	Volume (mL)	Volume (% ICV)	Z-score	Percentile	
	Whole Brain	1188.57	86.15	0.57	50 - 75	▼
	Brain substructures	-	-	-	-	▲
	Amygdala	3.65	0.26	2.32	> 95	▲
	Left Amygdala	1.57	0.11	1.23	75 - 95	
	Right Amygdala	2.09	0.15	2.74	> 95	
	Hippocampus	7.18	0.52	2.25	> 95	▼

FIG. 6.5 – Choix des structures segmentées

La liste des structures segmentées visualisables est affichée dans la fenêtre spéciale. Elles correspondent aux structures segmentées par QyScore, à partir de données d'imagerie du patient pour l'acquisition choisie.

Elles sont organisées de la manière suivante :

- Groupe de structures (ex : « Brain substructures (sous-structures cérébrales) »)
  - Structure entière (ex : « Amygdala (Amygdale) »)
  - Structure latérale (ex : « Left Amygdala (Amygdale gauche) »)

Pour afficher / masquer une structure entière dans le tableau :

- Clic sur le nom du groupe ou sur l'icône ▼ / ▲ juxtaposant le nom du groupe contenant la structure entière.





Pour afficher / masquer une structure latérale dans le tableau (si applicable) :

- Clic sur le nom de la structure entière ou sur l'icône ▼ / ▲ juxtaposant le nom de la structure entière.





## Visualiser les segmentations

Les structures sont dites « affichées » lorsqu'elles sont visibles en « fausse couleur » dans les fenêtres de visualisation standard.





Pour afficher / masquer un groupe de structures :

- Clic sur l'icône  /  juxtaposant le nom du groupe : toutes les structures du groupe sont affichées ou masquées
-  : au moins une structure du groupe est affichée
-  : aucune structure du groupe n'est affichée

Pour afficher / masquer une structure entière :

- Si la structure entière n'apparaît pas dans le tableau : affichez la structure entière dans le tableau (voir section précédente)
- Clic sur l'icône  /  juxtaposant le nom de la structure entière : la structure dans son intégralité (structure droite et structure gauche, si applicable) est affichée ou masquée
-  : au moins une structure latérale de cette structure est affichée
-  : la structure entière est masquée

Pour afficher / masquer une structure latérale (si applicable) :

- Si la structure entière n'apparaît pas dans le tableau : affichez la structure entière dans le tableau (voir section précédente)
- Clic sur l'icône  /  juxtaposant le nom de la structure latérale.
-  : la structure latérale est affichée
-  : la structure latérale est masquée

## Visualiser les résultats numériques

Les résultats numériques peuvent être visualisés dans la fenêtre spéciale quand le mode *Quantification* est sélectionné :

- le volume en mL,
- le volume en % du volume intracrânien,
- le z-score par comparaison aux données normatives (décrites au chapitre 1.11),
- le percentile par comparaison aux données normatives (décrites au chapitre 1.11).

---

**Note :** Les z-scores et les percentiles sont calculés uniquement pour certaines structures.

---

## 6.4 Changer de modes de visualisation

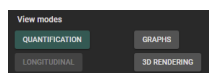


FIG. 6.6 – Modes de visualisation

Les modes de visualisation proposés permettent de modifier le contenu affiché dans la fenêtre spéciale. Il n'est possible de sélectionner qu'un mode de visualisation à la fois.

Les modes de visualisation disponibles sont détaillés ci-après.

### 6.4.1 Mode *Quantification*

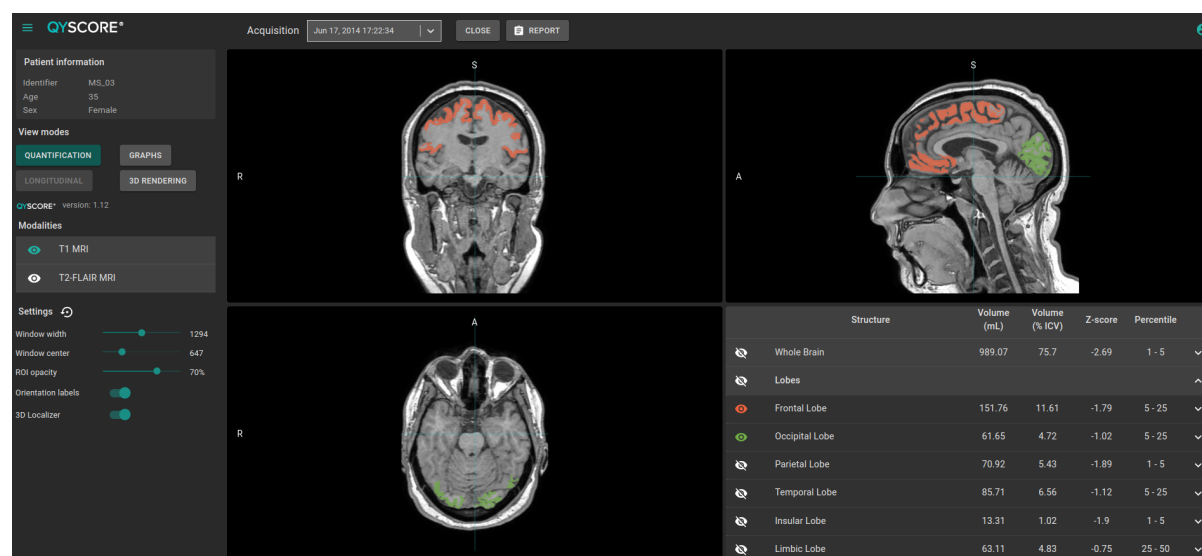


FIG. 6.7 – Mode *Quantification*

Il s'agit du mode par défaut.

Il permet la visualisation standard des structures segmentées et des statistiques associées, comme décrit au chapitre 6.3.

Pour activer le mode :

- Cliquez sur le bouton **Quantification**

La fenêtre spéciale affiche alors un tableau contenant :

- la liste des structures segmentées qui peuvent être affichées,
- les résultats numériques liés à ces structures.

## 6.4.2 Mode Graphiques

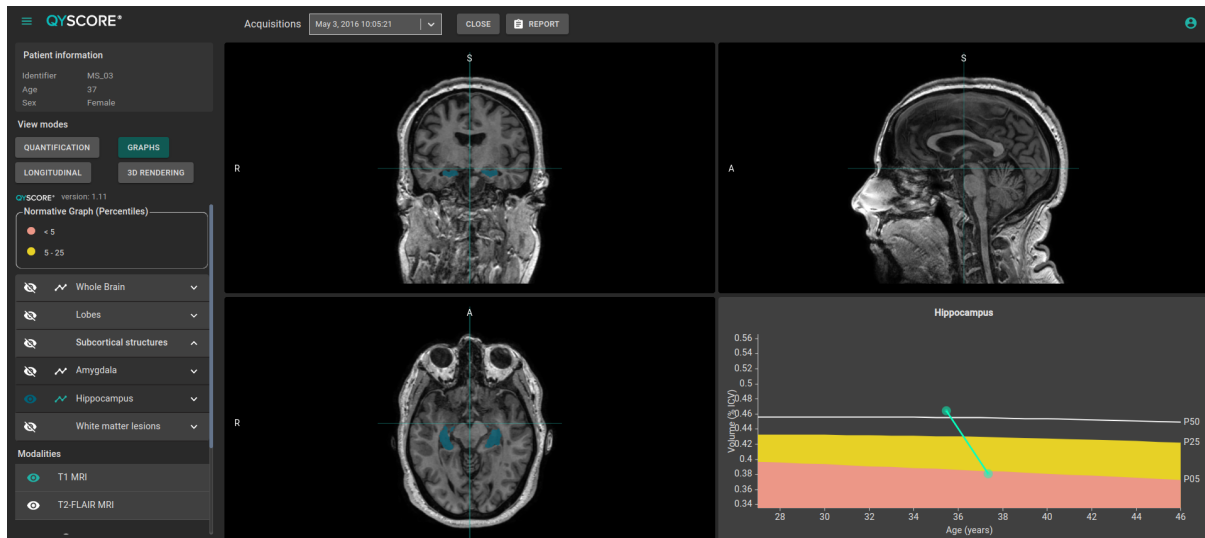


FIG. 6.8 – Mode Graphiques

Ce mode permet de visualiser des graphiques de comparaison aux données normatives (décrites dans le chapitre 1.11).

Pour activer le mode :

- Cliquez sur le bouton **Graphs** (Graphiques)

Le fenêtre spéciale affiche alors le graphique de comparaison aux données normatives pour la dernière structure sélectionnée (voir chapitre Fig. 6.9).

---

**Note :** Ces graphiques ne sont disponibles que pour les structures appartenant aux groupes *Whole brain* (Cerveau complet) et *Brain substructures* (Sous-structures cérébrales).

---

Pour chacun de ces graphiques, le volume de la structure entière ou latérale est affichée en comparaison aux volumes calculés sur la population normative du même âge, décrite au chapitre 1.11.

Si plusieurs acquisitions sont disponibles pour le patient sélectionné, le volume de la structure à chaque acquisition est également affiché pour permettre un suivi longitudinal du patient.

### Visualiser un graphique

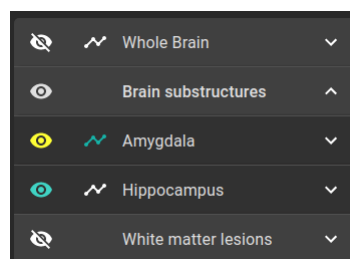


FIG. 6.9 – Choix du graphique à visualiser




La liste des structures visualisables en tant que graphique est affichée dans le tableau du panneau de contrôle.

Elles sont regroupées de la même manière que ce qui est décrit au chapitre 6.3.3.

Pour afficher le graphique d'une structure entière dans le tableau (si applicable) :

- Cliquez sur l'icône  juxtaposant le nom de la structure entière.

Pour afficher le graphique d'une structure latérale (si applicable) :

- Cliquez sur l'icône  juxtaposant le nom de la structure latérale.

### 6.4.3 Mode *Longitudinal*

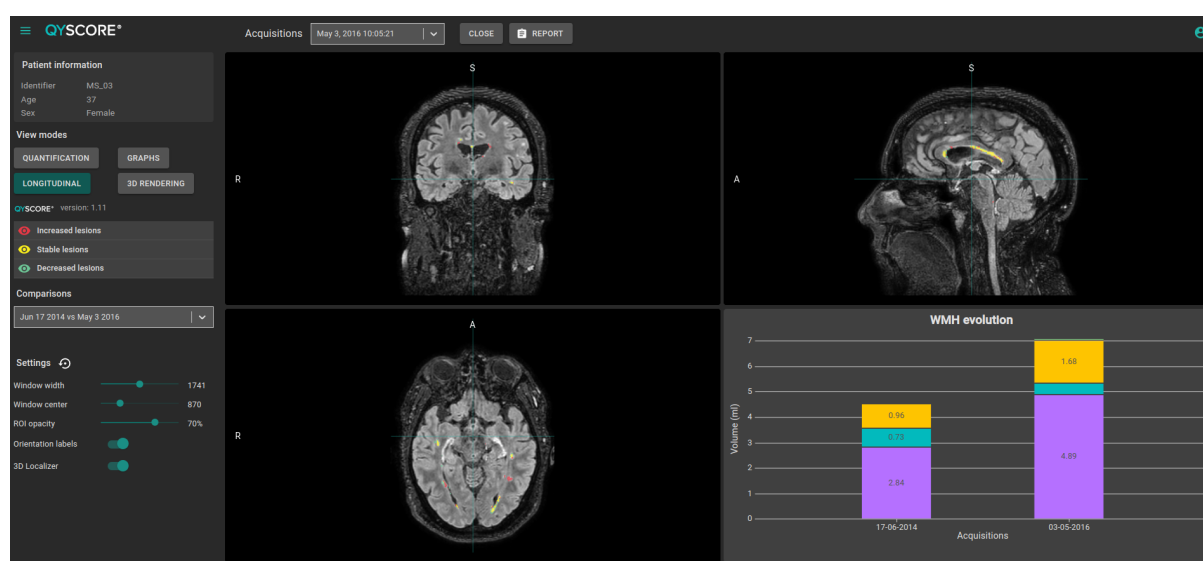


FIG. 6.10 – Mode *Longitudinal*

Ce mode permet de visualiser un graphique de l'évolution de la charge lésionnelle dans le temps.

Pour activer le mode :

- Cliquez sur le bouton **Longitudinal**

Ce mode permet de visualiser pour un même patient la superposition de segmentations réalisées à différents points temporels et d'identifier les lésions augmentées, diminuées et statiques avec l'échelle longitudinale.

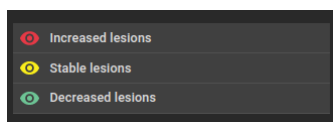
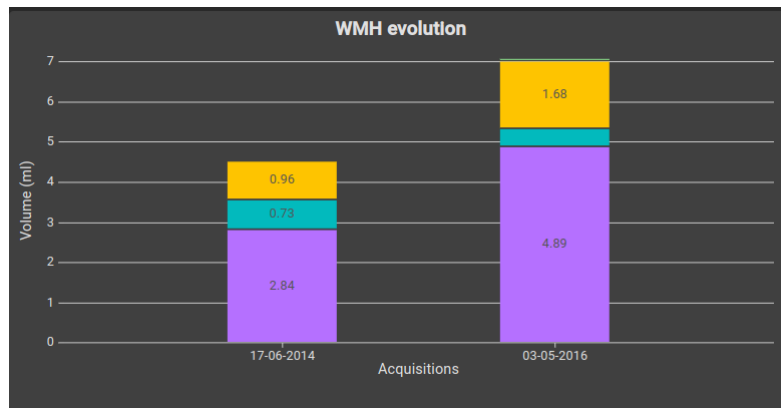


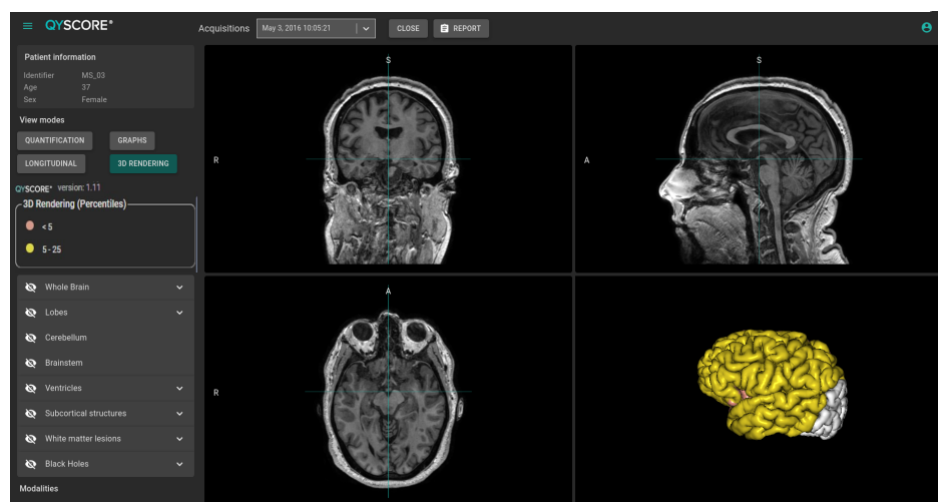
FIG. 6.11 – Échelle *longitudinale*

La fenêtre dédiée affiche un graphique de l'évolution de la charge lésionnelle dans le temps.

FIG. 6.12 – Graphique *longitudinal*

**Note :** Pour garantir une analyse longitudinale précise, il est recommandé d'utiliser les mêmes paramètres d'acquisition à chaque point temporel.

#### 6.4.4 Mode *de rendu 3D*

FIG. 6.13 – Mode *de rendu 3D*

Ce mode permet de visualiser l'atrophie en 3D et de la comparer à la base de données normative selon l'échelle des centiles.

FIG. 6.14 – Échelle de *rendu 3D*

Le cerveau 3D peut être déplacé et zoomé avec la souris.

---

**Note :** Remarque : le rendu cérébral 3D affiche la projection des centiles du patient sur un rendu 3D standard du cerveau.

---



---

**Note :** Le rendu 3D du cerveau est une vue anatomique du cerveau.

---

Pour activer le mode :

- Cliquez sur le bouton **3D rendering** (Rendu 3D)

## 6.5 Modifier les options de visualisation

Les options de visualisation sont disponibles via la partie *Settings* (Paramètres) du panneau de contrôle.

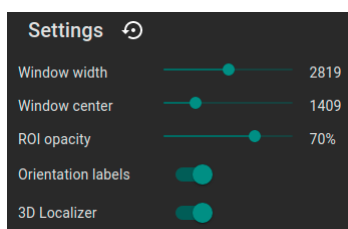


FIG. 6.15 – Options de visualisation

Les modifications de ces options ont un impact direct sur l’affichage des volumes dans les fenêtres de visualisation standard.

Les options disponibles sont détaillées ci-après.

### 6.5.1 *Window width* (Largeur de fenêtre) et *Window center* (Centre de la fenêtre)

Ces options permettent de modifier le fenêtrage d’intensités des modalités affichées.

Pour modifier le fenêtrage d’intensités appliqué à la modalité sélectionnée :

- Clic enfoncé sur les curseurs *Window width* (Largeur de fenêtre) ou *Window center* (Centre de la fenêtre).

### 6.5.2 *ROI opacity* (Opacité des régions d’intérêt)

Pour modifier le taux de transparence des structures segmentées :

- Clic enfoncé sur le curseur *ROI opacity* (Opacité des régions d’intérêt).

Le curseur permet de régler la visibilité des structures : plus il est dirigé vers la droite, plus ces dernières sont opaques.

### 6.5.3 Orientation labels (Libellés d'orientation)

Pour activer / désactiver les labels d'orientation :

- Clic sur le commutateur *Orientation labels* (Libellés d'orientation).


### 6.5.4 3D Localizer (Curseur 3D)

Pour activer / désactiver le curseur 3D :

- Clic sur le commutateur *3D Localizer* (Curseur 3D).

### 6.5.5 Restaurer les options d'origine

Pour restaurer les paramètres d'origine :

- Clic sur l'icône .

## 6.6 Afficher le rapport récapitulatif

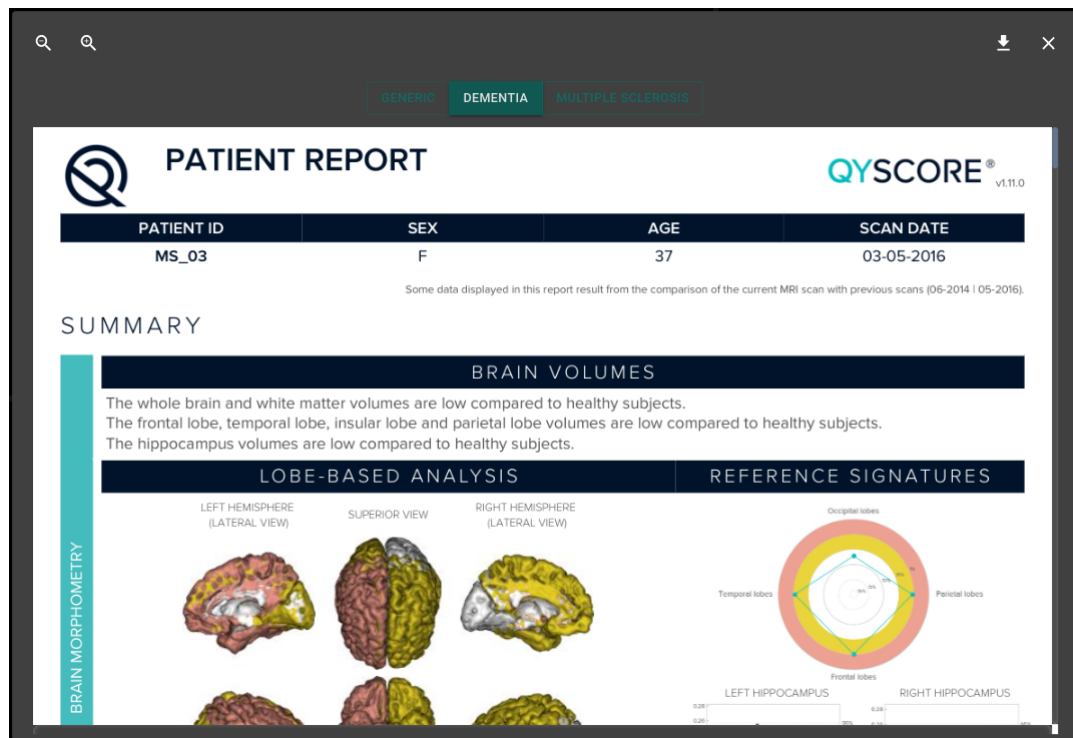


FIG. 6.16 – Visualisation du rapport




Pour afficher le rapport :

- Clic sur le bouton **Report** (Rapport)
- Clic sur **View report** (Voir rapport)

**Note :** Les variations de volume sont toujours calculées en comparant avec le premier point temporel d'acquisition.


### 6.6.1 Naviguer dans le rapport

Vous pouvez naviguer dans le rapport de différentes manières :

- Parcourir les pages : défilement molette
- Agrandir le rapport : clic sur l'icône 
- Réduire le rapport : clic sur l'icône 
- Réinitialiser la taille du rapport : clic sur l'icône 


#### Fermer le rapport

Pour fermer la fenêtre de visualisation du rapport, il y a deux possibilités :

- Clic en dehors de la fenêtre
- Clic sur l'icône 

### 6.6.2 Télécharger le rapport

Pour télécharger le rapport, il y a deux possibilités :

- Clic sur l'icône **Report** (Rapport), puis clic sur **Download report** (Télécharger rapport)
- Clic sur l'icône **Report** (Rapport), puis clic sur **View report** (View report) (Voir rapport), puis clic sur l'icône 

Le rapport sera sauvegardé dans le dossier de « Téléchargements » de votre ordinateur.

Avant de contacter une assistance, merci de vérifier les points suivants.

### 7.1 Je n'arrive pas à accéder à l'interface de visualisation

- Vérifiez que l'URL entrée dans le navigateur est correcte
- Si le serveur est installé localement, assurez-vous qu'il est allumé.
- Si le serveur est installé à distance, assurez-vous que votre ordinateur ait accès à internet.

### 7.2 Je n'arrive pas à envoyer des données depuis mon serveur DICOM

- Si le serveur est installé localement, assurez-vous qu'il est allumé.
- Vérifiez que vous avez envoyé un examen ou des séquences.
- Vérifiez que vous avez envoyé au moins une 3DT1.
- Vérifiez que les séquences choisies sont gérées par QyScore.
- Vérifiez que les paramètres d'acquisition sont conformes aux recommandations de QYNAPSE.
- Vérifiez que les options de configurations sont corrects (adresse IP, port...).
- Si cela ne fonctionne toujours pas, référez-vous au manuel utilisateur de votre serveur DICOM.

### 7.3 Je ne peux pas envoyer de données à partir de l'interface de visualisation

- Si le serveur est installé localement, assurez-vous qu'il est allumé.
- Si le serveur est installé à distance, assurez-vous que votre ordinateur ait accès à internet.
- Vérifiez que vous avez chargé un fichier .zip (format compressé) de vos fichiers DICOM.
- Vérifiez que vous avez envoyé au moins une 3DT1.
- Vérifiez que les séquences choisies sont gérées par QyScore.
- Vérifiez que les paramètres d'acquisition sont conformes aux recommandations de QYNAPSE.

## 7.4 Je ne reçois pas les résultats des analyses après le temps indiqué

Dans tous les cas :

- Attendez une ou deux minutes de plus ; en fonction de la résolution de l'image, le traitement peut durer un peu plus longtemps que prévu.

Via votre serveur DICOM ou l'interface locale de gestion de données :

- Essayez de relancer les analyses, après vous être assurés que vous avez sélectionné au moins une 3DT1, que les séquences choisies sont gérées par QyScore et que les paramètres d'acquisition sont conformes aux recommandations de QYNAPSE.
- Si cela ne fonctionne toujours pas, cela peut être dû à un problème de connexion avec le serveur d'analyses. Ce dernier est paramétré pour se relancer toutes les minutes en cas d'erreur ; patientez une minute et ré-essayez.


Via l'interface web, dans la section *Analyses monitoring (suivi des analyses)* :

- Patientez encore quelques minutes : selon la taille des fichiers chargés, les analyses peuvent prendre plus de temps à s'afficher dans l'interface de suivi.

## 7.5 Je ne retrouve pas l'examen que je souhaite visualiser

- Vérifiez que les filtres appliqués dans l'outil de recherche sont corrects.
- Dans l'interface web : Si cette analyse a été effectuée alors que la fenêtre de chargement des données était ouverte, fermez et rouvrez la fenêtre.
- La base de données est régulièrement nettoyée pour économiser de la place. Si l'examen que vous souhaitez visualiser n'est plus disponible, relancez l'analyse.

## 7.6 Je n'arrive pas à accéder à la page de gestion de comptes utilisateurs

- Assurez-vous que la session à laquelle vous êtes connecté est la vôtre, en cliquant sur l'icône . Votre nom d'utilisateur devrait s'afficher en haut du menu.
- Si le message *Your are not authorized to see this page* (Vous n'êtes pas autorisé à afficher cette page) s'affiche, c'est parce que seuls les administrateurs peuvent accéder à cette page.

## F

Fausse couleur, [11](#)

Fenêtre de visualisation standard, [11](#)

Fenêtre spéciale, [11](#)

## P

Percentile, [11](#)

## Z

Z-score, [11](#)